

PERFIL GENOTÍPICO DE CEPAS DE *Mycobacterium tuberculosis* ISOLADAS DE PACIENTES ATENDIDOS NO HOSPITAL DE CLÍNICAS DA UNICAMP NO PERÍODO DE 1996 A 2000 COM TUBERCULOSE PULMONAR

Ana Lucia Roscani Calusni, Maria Cecília Barisson Villares, G. N. Roscan, Marcelo De Carvalho Ramos¹
FCM/UNICAMP

Resumo

A tuberculose é um importante problema de saúde pública no Brasil e no mundo, o grande número de casos desta doença vem despertando o interesse em investigar melhor sua epidemiologia. As ferramentas mais utilizadas são as técnicas de biologia molecular. A técnica melhor padronizada e mais utilizada é o RFLP com a IS6110, através da qual podemos demonstrar o número e as posições das seqüências de inserção IS6110 no cromossomo do *Mycobacterium tuberculosis*. As amostras foram isoladas de pacientes portadores de tuberculose pulmonar atendidos no HC/ Unicamp. Após análise dos padrões de bandas obtidos e comparação dos dados com um banco internacional, cinquenta e nove isolados revelaram perfil genotípico único, enquanto que outros dezesseis foram agrupados em diferentes conglomerados distintos. Dez pacientes foram agrupados em conglomerados arbitrariamente designados como se segue: padrão “BE”, “BF”, “BH” e “AK”. Nos seis pacientes restantes foram encontrados padrões anteriormente descritos por um grupo de Houston (EUA), que são: padrão “137” (encontrado em Houston), padrão “Z” (El Paso e Juarez) e padrão “AZ” (Nova York). O fato de utilizar uma técnica padronizada por vários centros de pesquisa possibilita a comparação dos padrões isolados e assim confirmar a transmissão global da tuberculose.

Palavras-chaves

Tuberculose.

¹ E-mail: analucia@hc.unicamp.br

Res. trab. do SimTec: Simpósio dos Profissionais da UNICAMP, Campinas, SP, v.2, p.201, 2008.